

Phylogénie moléculaire de bactéries pathogènes de bivalves marins, *Vibrio splendidus*, à partir du gène *gyrB*



La production d'huîtres creuse, *Crassostrea gigas*, est aujourd'hui la principale production française de coquillages. Depuis 1991, des épisodes de mortalité estivale sur le naissain sont observés sur le littoral français. Les causes de ces épisodes de mortalité n'ont pas été clairement identifiées et semblent faire intervenir un ensemble de facteurs. Le seul moyen de lutte contre ces maladies infectieuses chez les mollusques d'élevages est l'identification et la détection des pathogènes pour contrôler les risques d'infection. De nombreuses études ont établi le caractère pathogène de certaines souches de *Vibrio splendidus* chez l'huître creuse. Aucun critère phénotypique ne permet de discriminer ces souches entre elles. Les méthodes moléculaires sont donc apparues nécessaires pour les discriminer. L'étude en PCR RFLP du gène codant pour l'ARNr 16S montre un polymorphisme au niveau des profils de restriction. Ce gène ne pouvait donc pas être utilisé en taxonomie pour étudier les *V. splendidus*. Notre étude s'est dirigée vers le gène *gyrB*.

La construction d'un arbre phylogénique à partir de séquences *GyrB* montre que *V. splendidus* I et II appartiennent à 2 espèces différentes. En outre, la technique PCR RFLP a été développée pour détecter spécifiquement ces 2 espèces de *V. splendidus*.

Auteurs du document : Magne, Fabien

Mots clés : *Vibrio splendidus*, *gyrB*, Phylogénie, PCR RFLP

Thème (issu du Text Mining) : BIOCHIMIE - CHIMIE, MILIEU NATUREL, FAUNE

Date : 2001-09

Format : text/xml

Langue : Inconnu

Droits d'utilisation : 2001 Ifremer, Univ. Clermont Ferrand, The author, info:eu-repo/semantics/openAccess, restricted use

Télécharger les documents : <https://archimer.ifremer.fr/doc/00032/14341/11625.pdf>

<https://archimer.ifremer.fr/doc/00032/14341/>

Permalien : <https://www.documentation.eauetbiodiversite.fr/notice/phylogenie-moleculaire-de-bacteries-pathogenes-de-bivalves-marins-vibrio-splendidus-a-partir-du-gene-0>

Evaluer cette notice: